

Medicina

## **Status da Caracterização Genômica de Leishmania braziliensis no Brasil**

Maria Eduarda Garcia Alvim - 7º módulo de Medicina, UFLA, iniciação científica voluntária.

Sidney de Almeida Ferreira - Orientador DME, UFLA. - Orientador(a)

### **Resumo**

Este trabalho teve como objetivo demonstrar como é a caracterização genômica de *Leishmania braziliensis* no Brasil, que é uma das principais áreas endêmicas deste parasito. Esta espécie é a principal causadora de leishmaniose cutânea (LC) no país e está relacionada à forma cutaneomucosa, causando grandes desfigurações nos hospedeiros susceptíveis. A compreensão da arquitetura genômica do parasito é relevante para entender melhor sua biologia e doenças relacionadas. Realizamos uma revisão sistemática, utilizando buscas preliminares nas bases de dados Cochrane e Prospero para verificação de trabalhos prévios. Logo após, seguimos para a busca de artigos sobre o tema, nos sites de pesquisa científica Pubmed e Science Direct, criamos um banco de publicações com os resultados da busca e procedemos a extração dos dados e a avaliação da qualidade das evidências. Todo o processo foi realizado independentemente por dois pesquisadores. Posteriormente, realizamos análise da qualidade das evidências encontradas, seguida da sumarização dos resultados e conclusão. Com base nas análises pertinentes, foi possível concluir que *L. braziliensis* possui alguma variabilidade genômica, apresenta baixa heterozigosidade e demonstra aneuploidias, sendo estas frequentes no cromossomo 31. Além disso, polimorfismos de nucleotídeo único (SNPS) estão distribuídos comumente próximos a regiões codificadoras do genoma e a maioria deles são homozigotos. Por fim, mais de uma centena de genes foi encontrada em cópias extras. A caracterização genômica pode ser contributiva para busca de novos alvos farmacológicos para o tratamento da LC causada por este parasito, além de auxiliar no reconhecimento de marcadores relacionados a: mecanismos utilizados por este parasito para infectar vários vetores e hospedeiros mamíferos, a determinação do espectro fenotípico da doença, a sua relação filogenética com outras cepas e espécies de *Leishmania*.

Palavras-Chave: *Leishmania braziliensis*, caracterização genômica, Brasil.

Instituição de Fomento: UFLA

Link do pitch: [https://youtu.be/4\\_DvXvwzB5s](https://youtu.be/4_DvXvwzB5s)