

Agronomia - Ciência do Solo

Biodiversidade e bioprospecção dos gêneros *Aspergillus*, *Penicillium* e *Talaromyces* do bioma Cerrado- MG

Lorena Eduarda Ribeiro Silva - 6º modulo de Agronomia, UFLA, INICIAÇÃO CIENTIFICA FAPEMIG.

Cristiane Nascimento Figueirêdo - Orientadora, 5º modulo das pós-graduação em microbiologia agrícola ,UFLA, bolsista pela CAPES

Teotonio Soares de Carvalho - Professor adjunto ,UFLA, Departamento de Ciências do Solo

Fatima Maria de Souza Moreira - Professor adjunto ,UFLA, Departamento de Ciências do Solo

Luis Roberto Batista - Professor adjunto , UFLA , Departamento de Ciências de Alimentos, UFLA

Victor Satler Pylro - Orientador , UFLA. departamento de microbiologia agricola - Orientador(a)

Resumo

O Cerrado, conhecido como a savana tropical brasileira, e' tambe'm considerado um dos hotspots para a conservac,a~o da biodiversidade global. Entretanto, nos u'ltimos anos mais da metade da sua a'rea nativa foi convertida em terras agri'colas de monocultivo. Apesar da grande compreensã~o da sua fauna e flora, a diversidade microbiana do Cerrado e' ainda amplamente desconhecida. Assim, o objetivo desse projeto foi identificar e comparar a diversidade de fungos filamentosos pertencentes aos ge^neros *Aspergillus*, *Penicillium* e *Talaromyces* do solo das a'reas de Cerrado nativo e cultivo de cafe' regenerativo e convencional, nas estac,o~es seca e chuvosa. As coletas foram realizadas nos mesmos pontos amostrais, entretanto em estac,o~es distintas (seca e u'mida). As a'reas foram divididas em transectos, totalizando 24 amostras compostas. Cada a'rea de cafe' (regenerativo e convencional) foi amostrada em 3 pontos e do Cerrado nativo em 6 pontos no municí'pio de Patrocí'nio-MG. Para o isolamento dos fungos filamentosos, foi utilizada a te'cnica de Diluic,o~es Seriadas seguida de plaqueamento em meio de cultura DRBC e DG 18%. As placas foram incubadas por 7 dias, a 25 °C e apo's o peri'odo de incubac,a~o foi feita a contagem do nu'mero total das Unidades Formadoras de Colo^nias (UFCs). Em seguida, os morfotipos foram purificados por meio de repicagens sucessivas em meio de cultura BDA, a 25 °C. Apo's o crescimento, os isolados foram identificados em ni'vel de ge^nero por meio de ana'lises morfolo'gicas microscó'picas. Ao todo foram identificados 80 isolados fu'ngicos pertencentes ao ge^nero *Penicillium* e 7 isolados fu'ngicos do ge^nero *Aspergillus*. Estes isolados estão depositados na colec,a~o de culturas da URMICRO/UFLA.

Palavras-Chave: diversidade , fungos edáficos , taxonomia .

Instituição de Fomento: FAPEMIG

Link do pitch: <https://youtu.be/74sjPf66xC0>