

Engenharia Florestal

Estimativa de parâmetros genéticos em teste de progênes de *Zeyheria tuberculosa*, após 36 meses de plantio

Laís Lara Jesus Barros Freitas - Bolsista FAPEMIG, discente do 11º período de Engenharia Florestal.

Natan Henrique Nunes Telles - Bolsista FAPEMIG, discente do 13º período de Engenharia Florestal.

Lavínia Barbosa Oliveira - Doutoranda PPGEF-UFLA.

Otávio Jerônimo Silva - Bolsista CNPq, discente do 10º período de Engenharia Florestal.

Adelson Lemes da Silva Júnior - Pós-doutorando em Engenharia Florestal, DCF, UFLA.

Lucas Amaral de Melo - Orientador, docente DCF/ESAL. - Orientador(a)

Resumo

A *Zeyheria tuberculosa*, conhecida popularmente como ipê felpudo, é uma árvore nativa do Brasil com grande potencial econômico e ecológico, valorizada por seu rápido crescimento, madeira leve e resistente. Porém, programas de melhoramento genético com a espécie ainda são incipientes. Portanto, objetivou-se estimar os parâmetros genéticos para os caracteres de crescimento em progênes de *Z. tuberculosa*, aos 36 meses após o plantio. O teste de progênes foi implantado no ano de 2020, na fazenda Palmital pertencente a Universidade Federal de Lavras, no município de Ijaci-MG. No experimento, foram implantadas 71 progênes, distribuídas aleatoriamente em blocos completos, com 15 repetições, totalizando assim 1065 parcelas de planta única. Foi selecionado um espaçamento inicial de 3 x 3 m entre as progênes, entretanto, visando a otimização das condições de crescimento, foi introduzido um consórcio com três espécies nativas de rápido desenvolvimento: *Peltophorum dubium* (canafístula), *Inga edulis* (ingá) e *Guazuma ulmifolia* (mutamba) nas entrelinhas. Esse ajuste resultou em um espaçamento final reduzido de 3 x 1,5 m entre as plantas. Os caracteres avaliados foram altura (ALT), diâmetro à altura do peito (DAP) e sobrevivência (SOB%), utilizando-se a metodologia de modelos mistos REML/BLUP com auxílio do software Selegen, modelo 19. Determinada a significância para o caráter, via análise de deviance, foram estimadas as herdabilidades individual restrita (h^2_a) e média da progênie (h^2_{mp}), os coeficientes de variação genética entre progênes ($Cv_{gp}\%$) e individual ($Cv_{gi}\%$), a acurácia da seleção de progênes (Ac_{prog}), as variações genéticas aditiva (V_a), residual (V_e) e fenotípica (V_f), bem como a média do caráter. Apenas a ALT foi significativa, apresentando o valor médio de 3,10 m. A h^2_a resultou no valor 0,11 e a h^2_{mp} em 0,30, representando baixa e moderada magnitude, respectivamente. Já o $Cv_{gi}\%$ (14,48%), o $Cv_{gp}\%$ (7,24%) e a Ac_{prog} (55%) indicam a ocorrência de variabilidade a nível individual e de progênes, com alta precisão da análise. Baseado nas avaliações, confirma-se o potencial da espécie, com a possibilidade de ganhos na seleção, principalmente a nível de progênie.

Palavras-Chave: *Zeyheria tuberculosa*, Teste de progênes, Parâmetros genéticos.

Instituição de Fomento: FAPEMIG

Link do pitch: <https://youtu.be/rfb20dchHPw>