Medicina Veterinária

IDENTIFICAÇÃO DE *Brucella* spp. EM MATERIAL UTERINO PROVENIENTE DE VACAS LEITEIRAS ALOJADAS EM SISTEMA COMPOST BARN.

Júlia Lima Paz - 7º módulo de Medicina Veterinária, UFLA, aluna do PIVIC/UFLA.

Marcilene Daniel Damasceno - Pós Graduanda do Departamento de Medicina Veterinária.

Isabella Machado Andrade - 6º módulo de Medicina Veterinária, UFLA, aluna do PIVIC/UFLA.

Amanda Carvalho Rosado Ferreira - Pós Graduanda do Departamento de Medicina Veterinária.

Alessandro de Sá Guimarães - Empresa Brasileira de Pesquisa Agropecuária, Embrapa Gado de Leite, Juiz de Fora, MG - Brasil.

Elaine Maria Seles Dorneles - Professora do Departamento de Medicina Veterinária, UFLA.
Orientadora. - Orientador(a)

Resumo

A brucelose bovina é uma doença infecciosa causada por bactérias do gênero *Brucella* spp. É uma doença zoonótica que afeta a economia da pecuária leiteira, devido aos problemas reprodutivos gerados, como aborto, retenção de placenta e nascimento de bezerros fracos, que resultam na queda dos índices produtivos e sanitários da fazenda. Neste sentido, os animais alojados em sistema de criação intensivo como o sistema compost barn, estão mais sujeitos ao desenvolvimento de doenças infecciosas, devido ao maior contato entre si. Por este motivo, é importante investigar a presença de brucelose nas vacas alojadas nesse sistema, a fim de realizar a prevenção e o controle da disseminação da doença, bem como avaliar a necessidade de melhorias no manejo sanitário da cama. O objetivo do estudo foi avaliar a presença de *Brucella* spp. nas amostras de citologia uterina coletadas de 307 vacas em período de transição, que são provenientes de 20 propriedades leiteiras que fazem uso do compost barn, localizadas nos estados de Minas Gerais e Goiás. O DNA das amostras foi extraído com a utilização do “Genomic DNA Purification Kit” (Wizard®). Posteriormente, as amostras foram quantificadas com o intuito de verificar a qualidade do material genético extraído e foram avaliadas através da Reação em Cadeia da Polimerase (PCR) com o uso dos primers B4 e B5. Dos 307 animais testados, 20 (6,51%) deles, provenientes de 5 fazendas, obtiveram resultado positivo para a presença de *Brucella* spp. nas amostras de DNA analisadas. Os resultados positivos demonstram necessidade de melhorias de manejo da cama de forma a prevenir a disseminação da doença para outros animais alojados no sistema. Deste modo podemos dizer que a PCR para *Brucella* spp. nas amostras de DNA coletadas foi um método de diagnóstico eficaz e rápido e que permitiu a identificação do patógeno. A correta identificação do patógeno colabora para a tomada de decisões relacionadas à mitigação dos prejuízos econômicos relacionados à doença, bem como a melhoria dos índices produtivos e a saúde dos animais alojados em sistema compost barn.

Palavras-Chave: brucelose, PCR, bovinos.

Instituição de Fomento: CAPES, CNPq, FAPEMIG, EMBRAPA e UFLA.

Link do pitch: <https://youtu.be/jS4XTg5EKtl>