

Agronomia

Desempenho de linhagens de soja provenientes de diferentes instituições de pesquisa em ensaio de rede

Eduardo José Pereira Resende - 7º módulo de Agronomia, UFLA.

Paulo Henrique Frois Correa Barros - Pós-graduando em Fitotecnia Agronomia, UFLA, bolsista CNPq.

Otávio Sales da Silveira - 10º módulo de Agronomia, UFLA.

Júlia Silva Passos dos Santos - 9º módulo de Agronomia, UFLA.

Guilherme Wilson Machado Rodrigues - 3º módulo de Agronomia, UFLA.

Adriano Teodoro Bruzi - Orientador DAG, UFLA. - Orientador(a)

Resumo

A seleção de genótipos superiores com alta produtividade aliada a precocidade para diferentes regiões tem sido um dos objetivos dos programas de melhoramento de soja. A avaliação dos genótipos em diferentes locais permite a identificação e seleção de linhagens promissoras para a região. Sendo assim, objetivou-se avaliar o desempenho de linhagens de soja, oriundas dos programas de melhoramento de diferentes instituições públicas de pesquisa no experimento da rede Soja Brasil. O experimento foi conduzido no Centro de Desenvolvimento e Transferência de Tecnologia (CDTT) na safra 2023/2024, no município de Ijaci- MG. Foram avaliadas um total de 25 linhagens, cinco de cada uma das instituições de pesquisa (UFLA, ESALQ, UFV e UNESP) e cinco testemunhas comerciais. Foram avaliados os caracteres produtividade (kg ha⁻¹), ciclo (dias), acamamento (Notas de 1 a 5, sendo 1 para plantas eretas e 5 para plantas totalmente acamadas). Os dados foram submetidos a análise de variância e teste de agrupamento de médias, no ambiente computacional R. Houve diferença significativa entre as linhagens em todas as variáveis respostas. Observa-se diferença estatística entre os genótipos para cada uma das instituições. Os genótipos advindos da UFLA e UFV apresentaram os melhores resultados para a produtividade de grãos, com todas as linhagens superiores à média geral (3450 kg ha⁻¹). Em relação ao ciclo, destacam-se as linhagens da UFLA, variando de 106 a 109 dias até a maturação. Todas as linhagens da UFLA apresentaram as menores notas de acamamento. Os genótipos da ESALQ apresentaram ciclo longo quando comparados com os demais, consequentemente, apresentaram maior índice de acamamento. As linhagens advindas da UFLA e UFV se destacaram, associando menor ciclo, maior produtividade de grãos e menor índice de acamamento.

Palavras-Chave: Glycine max, Melhoramento, Produtividade.

Link do pitch: <https://youtu.be/yWqpDnc51CM?si=UZgH5XuQ78sMUBcY>